



Dr Georges MOUTON MD

Functional Medicine

QUOTE GM #09

12/05/2017

Titre

Créé le

À PROPOS DU MÉTAGÉNOME, OU DES GÈNES ADOPTÉES PAR NOS MICROBES

Parasite Immunol. 2017 Mar 31. doi: 10.1111/pim.12430. [Epub ahead of print]

Recent advances in gut immunology.

Powell N^{1,2}, MacDonald TT^{1,2}.

Author information

- 1 Department of Experimental Immunobiology, Division of Transplantation Immunology and Mucosal Biology, Kings College London, London, SE1 9RT, UK.
- 2 Centre for Immunobiology, Blizard Institute, Barts and the London School of Medicine and Dentistry, Queen Mary University of London, London, E1 2AT, UK.

Abstract

In recent years there have been significant advances in our understanding of the mucosal immune system. In addition to unravelling some of the complexities of this system, including the discovery of completely new cells types, further insights into the three way interactions between mucosal immune cells, the intestinal epithelium and the microbial communities colonizing the GI tract, promises to redefine our understanding of how intestinal homeostasis is maintained, but also how dysregulation of these highly integrated interactions conspires to cause disease. In this review we will discuss major recent advances in the role of key immune players in the gut, including innate lymphoid cells (ILCs), mucosa associated invariant T cells (MAIT cells) and cells of the mononuclear phagocyte system (MPS), including how these cells interact with the intestinal epithelial their crosstalk with components of the intestinal microbiota, and how these interactions shape host health. This article is protected by copyright. All rights reserved.

This article is protected by copyright. All rights reserved.

PMID: 28370104 DOI: 10.1111/pim.12430

“**LE MICROBIOTE INTESTINAL**” « Les technologies indépendantes de la culture de souches, y compris le séquençage de nouvelle génération, ont révolutionné notre compréhension des colonies microbiennes qui peuplent le tractus gastro-intestinal et la contribution fonctionnelle de ces communautés à la santé de l’hôte.

Le **métagénome (les gènes portés par nos microbes colonisants)** a un impact profond sur de vastes aspects du phénotype hôte, y compris les facteurs métaboliques, endocriniens, neurologiques et immunologiques.

Remarquablement, cumulativement en tant qu’espèce, les humains possèdent 10 millions de gènes supplémentaires apportés par les bactéries intestinales.

Les communautés microbiennes intestinales sont diverses et bien qu’il existe des centaines d’espèces bactériennes différentes colonisant les intestins humains, la structure de la communauté diffère selon les populations humaines selon l’âge, l’alimentation, la répartition géographique et la génétique des hôtes.

De manière cruciale, **une perturbation significative de la structure communautaire des bactéries intestinales ou de la dysbiose** est liée à des altérations importantes de l’immunité et de la susceptibilité des hôtes aux maladies à médiation immunitaire à la fois à l’intérieur et à l’extérieur de l’intestin.

Traduit par www.medicatrix.be